**Cliente:       Instituição:**

**1. Proteína de interesse**

|  |  |
| --- | --- |
| Nome:       |   |
| Espécie:       |   |
| Sequencia polipeptídica:Copiar e colar |   |
| MW (Da) :       |  |
| Acesso GenBank (opcional):       |   |

**2. Características desejáveis**

|  |  |
| --- | --- |
| Sistema de expressão desejado: |   |
| Pureza mínima: |    | Se outra:       |
| Cauda para purificação: |    | Se outra:       |
| Posição da cauda: |    |
| Sítio de clivagem-cauda: |    |
| Remover cauda\*: |    \*remoção de cauda tem impacto nos custos do projeto |
| Remover endotoxina: |    | Se sim:  EU/µg |
| Qtidade desejada: |    mg |
|  |   |

**3. Controle de qualidade**

|  |  |
| --- | --- |
|   |  [ ] Endotoxina   [ ] ELISA   [ ] HPLC   [ ] IEF   [ ] MALDl-TOF   [ ] Seq. N-terminal   [ ] Outros *Nota: SDS-PAGE e Western Blot são controles incluídos no pacote, sem custos adicionais. MALDI-TOF será incluído no controle para proteínas com remoção de cauda. Se optar por serviço de remoçao de endotoxina, a caracterização desta não deve gerar custos adicionais.* |

**4. Propriedades descritas do alvo *(selecionar quantas forem necessárias)* [opcional]**

|  |  |
| --- | --- |
|   |   [ ] Citoplasmática   [ ] Enzima   [ ] Anticorpo   [ ] Fab   [ ] Protease de membrana    [ ] Protease secretada   [ ] Tóxica para *E. coli*   [ ] Proteína nuclear   [ ] Outros:       |

**5. Proposta(s) de aplicação *(selecionar quantas forem necessárias)* – [opcional]**

|  |  |
| --- | --- |
|   |  [ ] Ensaio de atividade  [ ] Imunógeno   [ ] HTS   [ ] Estudos *In vivo* studies   [ ] NMR   [ ] X-ray  [ ] Cristalografia   [ ] Interações proteína-proteína  [ ] Outros       |

**6. Tempo estimado para início do projeto**

|  |  |
| --- | --- |
|   |   [ ]  Imediato    [ ]  1 mês    [ ]  3 meses    [ ]  6 meses ou mais |

**7. Outros comentários relevantes**

|  |  |
| --- | --- |
|   |   |